

ФИО	Буздин Антон Александрович
Ученая степень, ученое звание, должность	доктор биологических наук, заведующий лабораторией клинической и геномной биоинформатики
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины. Лаборатория клинической и геномной биоинформатики
Электронная почта	
Владение языками	английский

Публикации (2018-2020 гг.):

1. Disparity between Inter-Patient Molecular Heterogeneity and Repertoires of Target Drugs Used for Different Types of Cancer in Clinical Oncology., Int J Mol Sci., Q1, 10.3390/ijms21051580
2. Diversity of Clinically Relevant Outcomes Resulting from Hypofractionated Radiation in Human Glioma Stem Cells Mirrors Distinct Patterns of Transcriptomic Changes, Cancers (Basel), Q1, 10.3390/cancers12030570
3. Intratumoral Heterogeneity and Longitudinal Changes in Gene Expression Predict Differential Drug Sensitivity in Newly Diagnosed and Recurrent Glioblastoma, Cancers (Basel), Q1, 10.3390/cancers12020520
4. Molecular heterogeneity in breast carcinoma cells with increased invasive capacities, Radiol Oncol, Q2, 10.2478/raon-2020-0007
5. RNA sequencing profiles and diagnostic signatures linked with response to ramucirumab in gastric cancer, Cold Spring Harb Mol Case Stud, Q2, 10.1101/mcs.a004945
6. Mutation Enrichment and Transcriptomic Activation Signatures of 419 Molecular Pathways in Cancer, Cancers (Basel), Q1, 10.3390/cancers12020271
7. Flexible Data Trimming Improves Performance of Global Machine Learning Methods in Omics-Based Personalized Oncology, Int J Mol Sci., Q1, 10.3390/ijms21030713
8. Oncobox Method for Scoring Efficiencies of Anticancer Drugs Based on Gene Expression Data, Methods Mol Biol, Q3, 10.1007/978-1-0716-0138-9_17
9. Molecular Pathway Analysis of Mutation Data for Biomarkers Discovery and Scoring of Target Cancer Drugs, Methods Mol Biol, Q3, 10.1007/978-1-0716-0138-9_16.
10. Quantitation of Molecular Pathway Activation Using RNA Sequencing Data, Methods Mol Biol, Q3, 10.1007/978-1-0716-0138-9_15
11. Exploration of the Transcriptional Landscape of ALPPS Reveals the Pathways of Accelerated Liver Regeneration, Front Oncol., Q1, 10.3389/fonc.2019.01206

12. Retroelement-Linked H3K4me1 Histone Tags Uncover Regulatory Evolution Trends of Gene Enhancers and Feature Quickly Evolving Molecular Processes in Human Physiology, *Cells*, Q1, 10.3390/cells8101219
13. Plasma exosomes stimulate breast cancer metastasis through surface interactions and activation of FAK signaling, *Breast Cancer Res Treat*, Q1, 10.1007/s10549-018-5043-0
14. Constitutive interferon signaling maintains critical threshold of MLKL expression to license necroptosis, *Cell Death Differ*, Q1, 10.1038/s41418-018-0122-7
15. H3K4me3, H3K9ac, H3K27ac, H3K27me3 and H3K9me3 Histone Tags Suggest Distinct Regulatory Evolution of Open and Condensed Chromatin Landmarks, *Cells*, Q1, 10.3390/cells8091034
16. RNA sequencing for research and diagnostics in clinical oncology, *Semin Cancer Biol.*, Q1, 10.1016/j.semcancer.2019.07.010
17. New Paradigm of Machine Learning (ML) in Personalized Oncology: Data Trimming for Squeezing More Biomarkers From Clinical Datasets, *Front Oncol*, Q1,
18. High FREM2 Gene and Protein Expression Are Associated with Favorable Prognosis of IDH-WT Glioblastomas, *Cancers (Basel)*, Q1,
19. High-Throughput Mutation Data Now Complement Transcriptomic Profiling: Advances in Molecular Pathway Activation Analysis Approach in Cancer Biology, *Cancer Inform*, Q2, 10.1177/1176935119838844
20. Atlas of RNA sequencing profiles for normal human tissues, *Scientific Data*, Q1, 10.1038/s41597-019-0043-4
21. Retroelement-Linked Transcription Factor Binding Patterns Point to Quickly Developing Molecular Pathways in Human Evolution, *Cells*, Q1, 10.3390/cells8020130
22. Pathway based analysis of mutation data is efficient for scoring target cancer drugs, *Frontiers in Pharmacology*, Q1, 10.3389/fphar.2019.00001
23. Shambhala: a platform-agnostic data harmonizer for gene expression data, *BMC Bioinformatics*, Q1, 10.1186/s12859-019-2641-8
24. FLOating-Window Projective Separator (FloWPS): a data trimming tool for support vector machines (SVM) to improve robustness of the classifier, *Frontiers in Genetics*, Q1, 10.3389/fgene.2018.00717
25. Pathway instability is an effective new mutation-based type of cancer biomarkers, *Frontiers in Oncology*, Q1, 10.3389/fonc.2018.00658
26. Oncobox bioinformatical platform for selecting potentially effective combinations of target drugs using high-throughput gene expression data, *Cancers (Basel)*, Q1, 10.3390/cancers10100365

27. Cytotoxic potential of the novel horseshoe crab peptide polyphemusin III, *Marine Drugs*, Q1,
28. Molecular pathway activation – new type of biomarkers for tumor morphology and personalized selection of target drugs, *Seminars in Cancer Biology*, Q1, 10.1016/j.semcancer.2018.06.003
29. Anticancer Activity of the Goat Antimicrobial Peptide ChMAP-28, *Frontiers in Pharmacology*, Q1, 10.3389/fphar.2018.01501
30. Profiling of Human Molecular Pathways Affected by Retrotransposons at the Level of Regulation by Transcription Factor Proteins, *Front Immunol*, Q1, 10.3389/fimmu.2018.00030
31. RNA Sequencing-Based Identification of Ganglioside GD2-Positive Cancer Phenotype., *Biomedicines*, Q1, 10.3390/biomedicines8060142
32. RNA Sequencing in Comparison to Immunohistochemistry for Measuring Cancer Biomarkers in Breast Cancer and Lung Cancer Specimens., *Biomedicines*, Q1, 10.3390/biomedicines8050114
33. Large-Scale Profiling of Signaling Pathways Reveals a Distinct Demarcation between Normal and Extended Liver Resection, *Cells*, Q1,

Конференции (2018-2020 гг.):

1. WIN Symposium 2019, Paris, France. Oncobox, RNA Sequencing and Molecular Pathway Analysis-Based Second Opinion System for Prescription of Target Drugs to Advanced Cancer Patients
2. EORTC Groups Annual Meeting 2019, Brussels, Belgium. RNA sequencing data for molecular pathway
3. TOPS-2019 SYMPOSIUM, STANFORD UNIVERSITY
4. 3rd Sechenov International Biomedical Summit (SIBS 2019), Moscow, Pathway instability is an effective new mutation-based type of cancer biomarkers
5. CANCER METASTASIS CONFERENCE, SEEFELD, Austria

Гранты:

1. РФФИ, Система предсказания ответа опухолей на таргетную терапию на основании омиксных данных, 2019-2021
2. РФФ, Выявление факторов, препятствующих успешной HER-таргетной терапии при раке молочной железы и разработка противоопухолевого препарата, связывающего HER-лиганды, 2018-2020

ФИО	Ашнер Михаэль
Ученая степень, ученое звание, должность	PhD, Prof., научный сотрудник
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины. Лаборатория молекулярной диетологии
Электронная почта	
Владение языками	английский
Публикации (2018-2020 гг.):	
1. Manganese in the Diet: Bioaccessibility, Adequate Intake, and Neurotoxicological Effects, Journal of Agricultural and Food Chemistry, Q1, 10.1021/acs.jafc.0c00641	
Конференции (2018-2020 гг.):	
1. Mechanisms of Manganese Induced Neurotoxicity: From Worms to Human Neonates	
Гранты:	
1. US National Institutes of Health, BBB Transport of MMT Metabolites, 2000 - 2023	

ФИО	Грабеклис Андрей Робертович
Ученая степень, ученое звание, должность	кандидат биологических наук, старший научный сотрудник
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины. Лаборатория молекулярной диетологии
Электронная почта	
Владение языками	английский
Публикации (2018-2020 гг.):	
<ol style="list-style-type: none"> 1. The Efficiency of Governmental and WFP UN Programs for Improvement of Nutritional Status in Tajik Schoolchildren as Assessed by Dietary Intake and Hair Trace Element Content, Journal of Trace Elements in Medicine and Biology, Q1, 10.1016/j.jtemb.2019.06.018 	
Конференции (2018-2020 гг.):	
<ol style="list-style-type: none"> 1. "Occupational exposure to metals: issues of choosing biomarkers" 	
Гранты:	
<ol style="list-style-type: none"> 1. РФФИ, Изучение влияния ртути и двухвалентных металлов на ожирение и ожирение-ассоциированные нарушения метаболизма железа, 2020 - 2022 	

ФИО	Лобински Рышард Станислав
Ученая степень, ученое звание, должность	PhD, Prof., научный сотрудник
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины. Лаборатория молекулярной диетологии
Электронная почта	
Владение языками	английский
Публикации (2018-2020 гг.):	
<ol style="list-style-type: none"> Does Selenium Fortification of Kale and Kohlrabi Sprouts Change Significantly Their Biochemical and Cytotoxic Properties?, Journal of Trace Elements in Medicine and Biology, Q1, 10.1016/j.jtemb.2020.126466 	
Конференции (2018-2020 гг.):	
<ol style="list-style-type: none"> State-of-the-art of the characterization of selenium-enriched yeast by mass spectrometry 	
Гранты: -	

ФИО	Осет Ян Улав
Ученая степень, ученое звание, должность	PhD, Prof., научный сотрудник
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины. Лаборатория молекулярной диетологии
Электронная почта	
Владение языками	английский
Публикации (2018-2020 гг.):	
1. Arsenic Toxicity: Molecular Targets and Therapeutic Agents, Biomolecules open access, Q1, 10.3390/biom10020235	
Конференции (2018-2020 гг.): -	
Гранты: -	

ФИО	Скальная Маргарита Геннадиевна
Ученая степень, ученое звание, должность	доктор медицинских наук, профессор
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины. Лаборатория молекулярной диетологии
Электронная почта	
Владение языками	английский
Публикации (2018-2020 гг.):	
1. Serum Levels of Copper, Iron, and Manganese in Women With Pregnancy, Miscarriage, and Primary Infertility, Journal of Trace Elements in Medicine and Biology, Q1, 10.1016/j.jtemb.2019.08.009	
Конференции (2018-2020 гг.):	
1. "Determinants of serum Mn levels: in search for potential biomarkers"	
Гранты:	
1. РФФИ, Изучение влияния ртути и двухвалентных металлов на ожирение и ожирение-ассоциированные нарушения метаболизма железа, 2020 - 2022	

ФИО	Скальный Анатолий Викторович
Ученая степень, ученое звание, должность	доктор медицинских наук, профессор, заведующий лабораторией молекулярной диетологии
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины. Лаборатория молекулярной диетологии
Электронная почта	
Владение языками	английский
Публикации (2018-2020 гг.):	
<ol style="list-style-type: none"> 1. Serum Levels of Copper, Iron, and Manganese in Women With Pregnancy, Miscarriage, and Primary Infertility, Journal of Trace Elements in Medicine and Biology, Q1, 10.1016/j.jtemb.2019.08.009 	
Конференции (2018-2020 гг.):	
<ol style="list-style-type: none"> 1. "Macro effects' of 'micro elements': current trends in trace element status of russian population" 	
Гранты:	
<ol style="list-style-type: none"> 1. РФФИ, Изучение влияния ртути и двухвалентных металлов на ожирение и ожирение-ассоциированные нарушения метаболизма железа, 2020 - 2022 	

ФИО	Тиньков Алексей Алексеевич
Ученая степень, ученое звание, должность	кандидат медицинских наук, ведущий научный сотрудник
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины. Лаборатория молекулярной диетологии
Электронная почта	
Владение языками	английский
Публикации (2018-2020 гг.):	
1. Manganese in the Diet: Bioaccessibility, Adequate Intake, and Neurotoxicological Effects, Journal of Agricultural and Food Chemistry, Q1, 10.1021/acs.jafc.0c00641	
Конференции (2018-2020 гг.):	
1. Toxic trace elements in obesity and metabolic syndrome	
Гранты:	
1. РФФИ, Изучение влияния ртути и двухвалентных металлов на ожирение и ожирение-ассоциированные нарушения метаболизма железа, 2020 - 2022	

ФИО	Жученко Наталья Александровна
Ученая степень, ученое звание, должность	кандидат медицинских наук, доцент, заместитель директора по персонализированным медицинским технологиям Института персонализированной медицины
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины
Электронная почта	Zhychenko64@mail.ru
Владение языками	английский
Публикации (2018-2020 гг.):	
<ol style="list-style-type: none"> 1. Selenium and Other Elements in Wheat (<i>Triticum aestivum</i>) and Wheat Bread from a Seleniferous Area, Biological Trace Element Research, Q2, https://doi.org/10.1007/s12011-019-01776-6 2. The spectrum of pathogenic variants of the ATP7B gene in Wilson disease in the Russian Federation., Journal of Trace Elements in Medicine and Biology, Q2, doi: 10.1016/j.jtemb.2019.126420. 	
Конференции (2018-2020 гг.):	
<ol style="list-style-type: none"> 1. Молекулярная диетология и управление здоровьем 2. Генетика канцерогенеза и нутрициология 	
Гранты: -	

ФИО	Секачева Марина Игоревна
Ученая степень, ученое звание, должность	доктор медицинских наук, PhD, профессор, директор Института персонализированной медицины
Название структурного подразделения	Научно-технологический парк биомедицины. Институт персонализированной медицины
Электронная почта	
Владение языками	английский
Публикации (2018-2020 гг.):	
<ol style="list-style-type: none"> 1. "Diagnostic value of combinatorial markers in colorectal carcinoma", Front Oncol., Q1, 10.3389/fonc.2020.00832 2. Disparity between Inter-Patient Molecular Heterogeneity and Repertoires of Target Drugs Used for Different Types of Cancer in Clinical Oncology, Int J Mol Sci., Q1, 10.3390/ijms21051580. 3. "RNA sequencing profiles and diagnostic signatures linked with response to ramucirumab in gastric cancer.", Cold Spring Harb Mol Case Stud, Q1, doi: 10.1101/mcs.a004945. 4. Transcriptomics-Guided Personalized Prescription of Targeted Therapeutics for Metastatic ALK-Positive Lung Cancer Case Following Recurrence on ALK Inhibitors., Front Oncol., Q1, doi: 10.3389/fonc.2019.01026. 5. Genome-wide methylotyping resolves breast cancer epigenetic heterogeneity and suggests novel therapeutic perspectives., Epigenomics., Q1, 10.2217/epi-2018-0213. 6. Personalized prescription of imatinib in recurrent granulosa cell tumor of the ovary: case report., Cold Spring Harb Mol Case Stud., Q1, doi: 10.1101/mcs.a003434. 7. Molecular pathway activation-based analysis for personalized prescription of tyrosine kinase inhibitors for advanced solid tumor patients., Journal of Clinical Oncology, Q1, 10.1200/JCO.2019.37.15_suppl.e15636 	
Конференции (2018-2020 гг.):	
Гранты:	